

# INTERPRETATION TABLE

## DQB1\*03 SSP subtyping

Amplification patterns of the DQB1\*03:01 to DQB1\*03:38 alleles

	Well <sup>5</sup>															
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
Length of spec.	165	220	135	220	135	95	115	110	135	135	135	260	165	130	135	130
PCR product(s)						130		140		260						
Length of int.	515	515	515	515	430	430	430	430	430	430	430	515	430	515	515	430
pos. control <sup>1</sup>																
5'-primer(s) <sup>2</sup>	45(230)	26(173)	26(173)	26(173)	26(173)	26(173)	38(210)	49(242)	38(210)	14(136)	13(134)	13(134)	26(173)	26(173)	55(260)	57(266)
	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-TTA <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-TTA <sup>3'</sup>	5'-ggg <sup>3'</sup>	5'-gCA <sup>3'</sup>	5'-ggT <sup>3'</sup>	5'-gCA <sup>3'</sup>	5'-gCC <sup>3'</sup>	5'-ggC <sup>3'</sup>	5'-ggC <sup>3'</sup>	5'-TTA <sup>3'</sup>	5'-TTA <sup>3'</sup>	5'-gCC <sup>3'</sup>	5'-TgA <sup>3'</sup>
						38(208)		55(260)		135(500)						
						5'-ACA <sup>3'</sup>		5'-gCA <sup>3'</sup>		5'-TgA <sup>3'</sup>						
								5'-Agg <sup>3'</sup>	63(285)							
3'-primer(s) <sup>3</sup>	86(353)	86(353)	57(266)	86(353)	57(266)	55(260)	62(282)	86(353)	70(304)	86(353)	45(230)	86(353)	67(296)	55(260)	86(353)	86(353)
	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-Cgg <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-Cgg <sup>3'</sup>	5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-CTA <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-ggT <sup>3'</sup>	5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>
										167(596)				55(260)		
										5'-CAT <sup>3'</sup>				5'-gCg <sup>3'</sup>		
														55(260)		
														5'-ggg <sup>3'</sup>		
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

Length of spec.	165	220	135	220	135	95	115	110	135	135	135	260	165	130	135	130
PCR product(s)						130		140		260						
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
DQB1 allele <sup>4</sup>																
*03:01:01:01-03:01:02, 03:01:04-03:01:06	1	2										12		14	15	16
*03:01:03	1	2										12		14	15	
*03:02:01-03:02:05			3	4											15	
*03:03:02:01-03:03:04				4											15	16
*03:04	1	2			5							12		14	15	
*03:05:01-03:05:04						6									15	
*03:06				4			7								15	16
*03:07			3	4				8							15	
*03:08			3	4					9						15	
*03:09	1	2								10		12		14	15	16
*03:10		2									11	12		14	15	16
*03:11			3	4						10					15	
*03:12				4							11	12			15	16
*03:13	1	2										12	13	14	15	16
*03:14		2			5						11	12		14	15	
*03:15				4				8							15	16
*03:16	1	2						8				12				16
*03:17						6									15	16
*03:18			3	4											15	
*03:19	1	2										12		14	15	16
*03:20				4		6									15	16
*03:21	1	2										12		14	15	16
*03:22	1	2										12		14	15	16
*03:23				4												16
*03:24	1	2										12		14	15	16
*03:25				4			7									
*03:26				4						10					15	16
*03:27	1	2										12		14	15	16
*03:28	1	2										12		14	15	16
*03:29	1	2										12		14	15	16
*03:30				4											15	16
*03:31				4											15	16
*03:32			3	4											15	
*03:33				4											15	16
*03:34				4											15	16
*03:35	1	2										12		14	15	16
*03:36	1	2										12		14	15	16
*03:37			3	4											15	
*03:38				4											15	16
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
Length of spec.	165	220	135	220	135	95	115	110	135	135	135	260	165	130	135	130

PCR product(s)						130		140		260						
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
*02:01:01-02:02, 02:04-02:06			3	4												
*02:03				4												16
*04:01:01-04:02:02, 04:04-04:08																
*04:03:01-04:03:02				4												
*06:01:01-06:01:06, 06:43											11					
*06:02:02									9							
*06:03:01, 06:04:02, 06:07:01, 06:08:01, 06:11:01-06:11:02, 06:26N, 06:28, 06:30-06:32, 06:40-06:41, 06:44																
*06:03:02									9							
*06:29			3													
DQB1 allele <sup>4</sup>																
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16



220	175	175	150	160	160	130	210	170	180	175	200	110	135	195	Length of spec.
								240		250		165			PCR product(s)
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	Well No.
															DQB1 allele <sup>4</sup>
		19													*03:01:01:01-03:01:02,
		19													03:01:04-03:01:06
															*03:01:03
	18														*03:02:01-03:02:05
	18														*03:03:02:01-03:03:04
		19													*03:04
	18														*03:05:01-03:05:04
	?	?													*03:06
	?	?													*03:07
	?	?													*03:08
		19													*03:09
		19													*03:10
	?	?													*03:11
	?	?													*03:12
	?	?													*03:13
	?	?													*03:14
	?	?													*03:15
	?	?													*03:16
	?	?													*03:17
17	?	?													*03:18
	18														*03:19
	?	?													*03:20
		19	20												*03:21
		19		21											*03:22
	?	?			22										*03:23
		19				23									*03:24
	18														*03:25
	?	?													*03:26
		19					24								*03:27
		19												31	*03:28
		19						25							*03:29
	18								26						*03:30
	18									27					*03:31
	18									27					*03:32
	?	?										29			*03:33
	?	?						25							*03:34
		19										29			*03:35
		19											30		*03:36
	?	?									28				*03:37
	18										28				*03:38
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	Well No.
220	175	175	150	160	160	130	210	170	180	175	200	110	135	195	Length of spec.

														240	250	165	PCR product(s)	
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	Well No.			
															*02:01:01-02:02, 02:04-02:06			
															*02:03			
	18														*04:01:01-04:02:02, 04:04-04:08			
	18														*04:03:01-04:03:02			
															*06:01:01-06:01:06, 06:43			
															*06:02:02			
					22										*06:03:01, 06:04:02, 06:07:01, 06:08:01, 06:11:01-06:11:02, 06:26N, 06:28, 06:30-06:32, 06:40-06:41, 06:44			
					22										*06:03:02			
								26							*06:29			
														DQB1 allele <sup>4</sup>				
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	Well No.			